

FIG. 1

FLT4	1	MQ..RGAALCLRLWLCGLLDGLVSGYSMTPTLNITEESHVIDTGDSLS	48	
		: : : : : : : : : : : : :		SS
FLT1	1	MVSYWDTGVLLCALLSCLLLTGSSSGSKLKDPELSLKGTQHIMQAGQTLH	50	
FLT4	49	ISCRGQHPLEWAWPGAQEA PATGDKDSED TGVRDCEGTDARPYCKVLLL	98	
		: : : . : : : : . . : : : : . : : : : .		
FLT1	51	LQCRGEAAHKWSLPE.....MVSKESERLSITKSACGRNGKQFCSTLT	94	
FLT4	99	HEVHANDTGSYVCYKYIKARIEGTTAASSYVFVRDFFEQPFINK....PD	144	
		: : : : : : : : . : : : : : : : : : : : :		
FLT1	95	NTAQANHTGFYSCKYLAVPTSKKKETESAIYIFISDTGRPFVEMYSEIPE	144	
FLT4	145	TLLVNRK DAMWVPCLV SIPGLNVT LRS.QSSVLWPDGQEVVWDDRRGMLV	193	
		: : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : :		
FLT1	145	IIHMTGRELVIPCRVTS PNITVT LKKFPLD TLIPDGKRII WDSRKGFII	194	
FLT4	194	STPLLHDALYLQCE TTWGDQDFLSNPFLVHITGNELYDIQLLPRKSLELL	243	
		: : : : . : : : : : : : : : : : : : : : : : : : :		
FLT1	195	SNATYKEIGLLTCEATVNGHLYKTN.YLTHRQNTNTIIDVQISTPRPVKLL	243	

Ig I

Ig II

FIG. 2A

[illegible]

731 QKLSIORVREEDAGRYLC SVCNAKGCVNSSASVAVEGSEDKGSMEIVILV 780

[illegible]

714 STLFIERVTEDECVYHCKATNQKGVSESSAYLTVQGTSDKSNLELITLT 763

781 GTGVIAVFFWVLLLLIFC[NMRRPAHADIKTGYSIIMDPGEVPLEEQCEY 830
FLT4

一 二 三 四 五 六 七 八 九 十 十一 十二 十三 十四 十五 十六 十七 十八 十九 二十 二十一 二十二 二十三 二十四 二十五 二十六 二十七 二十八 二十九 三十 三十一 三十二 三十三 三十四 三十五 三十六 三十七 三十八 三十九 四十 四十一 四十二 四十三 四十四 四十五 四十六 四十七 四十八 四十九 五十 五十一 五十二 五十三 五十四 五十五 五十六 五十七 五十八 五十九 六十 六十一 六十二 六十三 六十四 六十五 六十六 六十七 六十八 六十九 七十 七十一 七十二 七十三 七十四 七十五 七十六 七十七 七十八 七十九 八十 八十一 八十二 八十三 八十四 八十五 八十六 八十七 八十八 八十九 九十 九十一 九十二 九十三 九十四 九十五 九十六 九十七 九十八 九十九 一百

764 CTCVAAATLFWLLLTLLIRKMKRSS.SEIKTDYLSIIMDPDEVPLDEQCER 812
FLT1

FLT4 831 LSYDASQWFEPRERLHLGRVLGYCAFQKVVESAFIGIHKSSCDTVAVKM 880

一、二、三、四、五、六、七、八、九、十、十一、十二、十三、十四、十五、十六、十七、十八、十九、二十、二十一、二十二、二十三、二十四、二十五、二十六、二十七、二十八、二十九、三十、三十一、三十二、三十三、三十四、三十五、三十六、三十七、三十八、三十九、四十、四十一、四十二、四十三、四十四、四十五、四十六、四十七、四十八、四十九、五十、五十一、五十二、五十三、五十四、五十五、五十六、五十七、五十八、五十九、六十、六十一、六十二、六十三、六十四、六十五、六十六、六十七、六十八、六十九、七十、七十一、七十二、七十三、七十四、七十五、七十六、七十七、七十八、七十九、八十、八十一、八十二、八十三、八十四、八十五、八十六、八十七、八十八、八十九、九十、九十一、九十二、九十三、九十四、九十五、九十六、九十七、九十八、九十九、一百。

FLT1 813 LPYDASKWEFARERLKLGLSLGRGAFGVVQASAFGIKKSPTCRTVAVKM 862

881 LKEGATASEHRALMSELKILIHIGNHLNVNLLGACTKPPQGPLMVIVEFC 930
FLT4

[illegible]

FLT1 863 LKEGATASEYKALMTELKILTHIGHHLNVNLLGACTKQGGPLMVIVEYC 912

931 KYGNLSNFLRAKRDFAF...SPCAEKSPEQGRGRFRAMVELARLDRRRPGSS 977
FLT4

[illegible]

FLT1 913 KYGNLSNYLKSQRDLFFLNKDAALHMEPKKEKMEPGLEQGKKPRLDVTS 962

FIG. 2D

KI

TK 2

FLT4	978	DRVLFARFSKTEGGARRASPDQEAEDLWLSPLTMEDLVCYSFQVARGMEF	1027
FLT1	963	SESFASSGFQEDKSLSDVEEEEDSDGFYKEPITMEDLISYSFQVARGMEF	1012
FLT4	1028	LASRKCIHRDLAARNILLSESDVVKICDFGLARDIYKDPDYVRKGSARLP	1077
FLT1	1013	LSSRKCIHRDLAARNILLSENNVVKICDFGLARDIYKNPDYVRKGDTRLP	1062
FLT4	1078	LKWMAPESEIFDKVYTTQSDVWSFGVLLWEIFSLGASPYPGVQINEEFCQR	1127
FLT1	1063	LKWMAPESEIFDKIYSTKSDVWSYGVLLWEIFSLGGSPYPGVQMDDEFCSR	1112
FLT4	1128	LRDGTRMRAPELATPAIRRMNLCWSGDPKARPAFSELVEILGDLLQGRG	1177
FLT1	1113	LREGMRRAPEYSTPEIYQIMLDCWHRDPKERPRFAELVEKLGDLLQANV	1162

FIG. 2E

FLT4 1178 LQEEEEVCMAPRSSQSSEEGSFQVSTMALHIAQADAEDSPPSLQRHSLA 1227
FLT1 1163 QQDGKDYIPINAILTGNSTGFTYSTPAFSEDFKESISAPKFNSGSSDDVR 1212
FLT4 1228 ARYYNWVSFPGCLARGAETRGSSRMKTFEEFPMPTTTYKGSVDNQTDSGM 1277
FLT1 1213 YVNAFKFMSLERIKTFEELLPNATSMFDDYQGDSSSTLLASPMMLKRFTWTD 1262
FLT4 1278 VLASEEFEQIESRHRQESGFR 1298
FLT1 1263 SKPKASLKIEV 1273

FIG. 2F

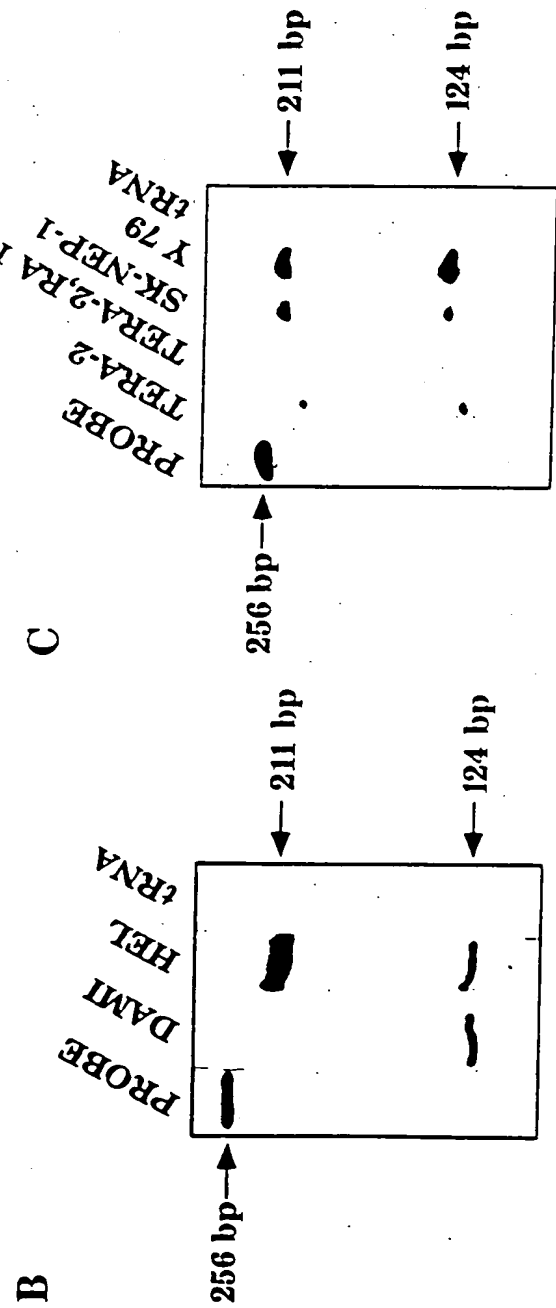
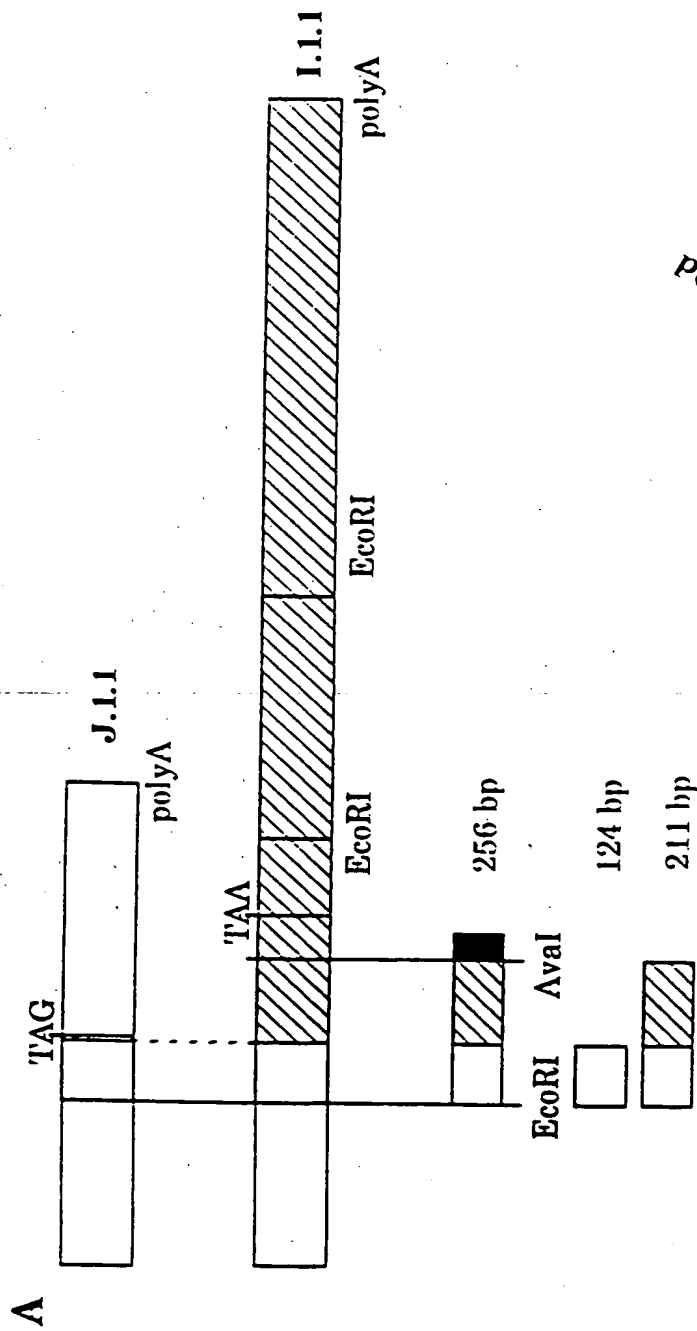


FIG. 3

FIG. 4

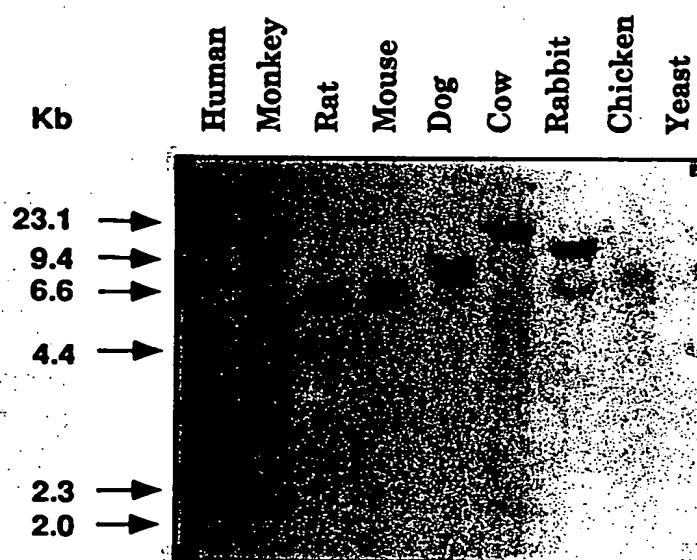




FIG. 5A



FIG. 5B



FIG. 5C



FIG. 5D

BEST AVAILABLE COPY



FIG. 5E



FIG. 5F

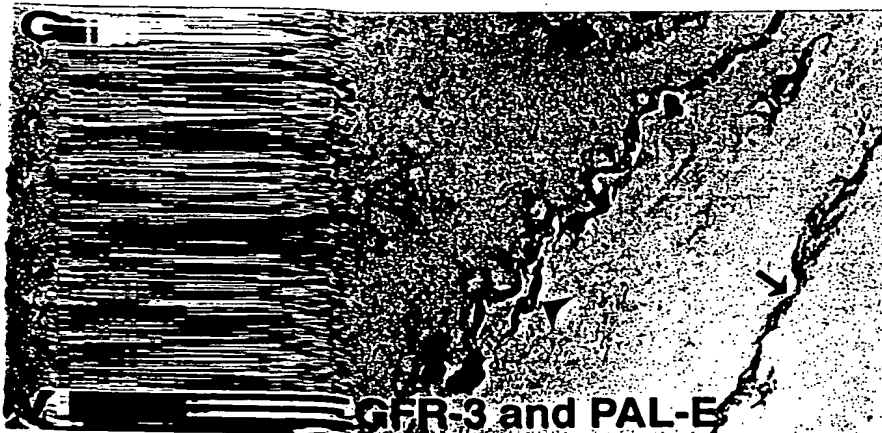


FIG. 5G

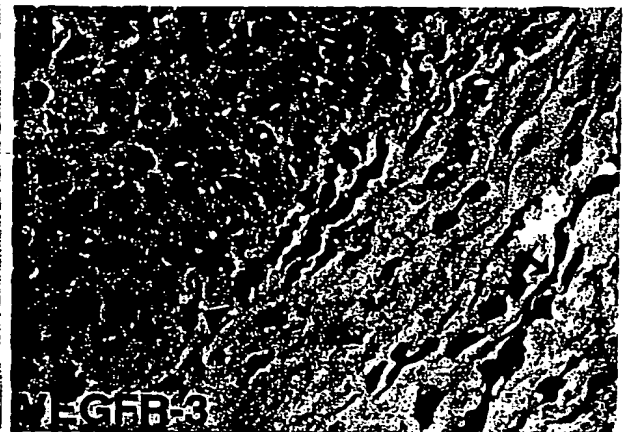


FIG. 5H